

| Peptide (=SEQ ID No.) | AA positio n | AA sequence | No. positive patients | % | No. positive patients | % |
|-----------------------------|--------------------|----------------|--------------------------|------|-----------------------------|------|
| 89 | 289-300 | NYDRWGTYAIGG | 11 | 22,9 | 6 | 12,5 |
| 90 | 292-303 | RWGTYAIGGSSA | 5 | 10,4 | 3 | 6,3 |
| 91 | 295-306 | TYAIGGSSAPTI | 13 | 27,1 | 11 | 22,9 |
| 92 | 298-309 | IGGSSAPTILCQ | 3 | 6,3 | 2 | 4,2 |
| 93 | 301-312 | SSAPTILCQGNR | 6 | 12,5 | 4 | 8,3 |
| 94 | 304-315 | PTILCQGNRFLA | 11 | 22,9 | 9 | 18,8 |
| 95 | 307-318 | LCQGNRFLAPDD | 0 | 0,0 | 0 | 0,0 |
| 96 | 310-321 | GNRFLAPDDQIK | 5 | 10,4 | 4 | 8,3 |
| 97 | 313-324 | FLAPDDQIKKNV | 6 | 12,5 | 4 | 8,3 |
| 98 | 316-327 | PDDQIKKNVLAR | 13 | 27,1 | 8 | 16,7 |
| 99 | 319-330 | QIKKNVLARTGT | 8 | 16,7 | 4 | 8,3 |
| 100 | 322-333 | KNVLARTGTGAA | 6 | 12,5 | 5 | 10,4 |
| 101 | 325-336 | LARTGTGAAESM | 10 | 20,8 | 7 | 14,6 |
| 102 | 328-339 | TGTGAAESMAWN | 9 | 18,8 | 6 | 12,5 |
| 103 | 331-342 | GAAESMAWNWRS | 2 | 4,2 | 1 | 2,1 |
| 104 | 334-345 | ESMAWNWRSDKD | 2 | 4,2 | 1 | 2,1 |
| 105 | 337-348 | AWNWRSDKDLLE | 4 | 8,3 | 3 | 6,3 |
| 106 | 340-351 | WRSDKDLLENGA | 3 | 6,3 | 1 | 2,1 |
| 107 | 343-354 | DKDLLENGAIFV | 30 | 62,5 | 27 | 56,3 |
| 108 | 346-357 | LLENGAIFVTSG | 27 | 56,3 | 24 | 50,0 |
| 109 | 349-360 | NGAIFVTSGSDP | 12 | 25,0 | 9 | 18,8 |
| 110 | 352-363 | IFVTSGSDPVLT | 13 | 27,1 | 11 | 22,9 |
| 111 | 355-366 | TSGSDPVLTVPVQ | 16 | 33,3 | 11 | 22,9 |
| 112 | 358-369 | SDPVLTVPVQSAG | 7 | 14,6 | 3 | 6,3 |
| 113 | 361-372 | VLTPVQSAGMIP | 4 | 8,3 | 1 | 2,1 |
| 114 | 364-375 | PVQSAGMIPAEP | 8 | 16,7 | 5 | 10,4 |
| 115 | 367-378 | SAGMIPAEPGEA | 18 | 37,5 | 17 | 35,4 |
| 116 | 370-381 | MIPAEPGEAAIK | 6 | 12,5 | 4 | 8,3 |
| 117 | 373-384 | AEPGEAAIKLTS | 4 | 8,3 | 3 | 6,3 |
| 118 | 376-387 | GEAAIKLTSSAG | 10 | 20,8 | 8 | 16,7 |
| 119 | 379-390 | AIKLTSSAGVLS | 16 | 33,3 | 10 | 20,8 |
| 120 | 382-393 | LTSSAGVLSCRIP | 14 | 29,2 | 9 | 18,8 |
| 121 | 385-397 | SAGVLSCRIPGAPC | 6 | 12,5 | 2 | 4,2 |